

# 美国《Emerging Infectious Diseases》2007 年第 12 期 有关人兽共患病论文摘译

**P1821 加拿大黑雁 (*Branta canadensis*) 对高致病性禽流感 (H5N1) 的易感性 // John Pasick, Yohannes Berhane, Carissa Embury-Hyatt, 等**

候鸟在高致病性禽流感 (HPAI) 病毒 (H5N1) 从亚洲到欧洲、非洲的远距离传播中起重要作用。虽然对数量庞大的多种健康候鸟的抽样调查并未发现候鸟能携带 H5N1 进入欧洲,但对病、死候鸟的监测已经表明,绒鸭 (*Cygnus olor*) 和疣鼻天鹅 (*C. cygnus*) 可以作为前哨动物。由于担心候鸟可将 H5N1 亚型传播到西半球并导致它在自由生活的鸟类种群的定植,我们对数千北美本土的鸭或鹅的易感性进行了实验研究。我们检测了加拿大黑雁 (*Branta canadensis*) 对高致病性禽流感 (H5N1) 的易感性,这种黑雁在泛农业区域和城郊环境中具有很大的种群数量。如果 H5N1 定植在北美的野禽种群中,加拿大黑雁将可能具有重要的流行病学意义。

**P1828 越南的鱼源性人兽共患肠吸虫 // Do Trung Dung, Nguyen Van De, Jitra Waikagul, 等**

鱼源性人兽共患吸虫中,肝吸虫在越南已有文献记载,但肠吸虫却从未报道。最近在野生和养殖的鱼类中发现此类吸虫的囊蚴,促使我们对食用生鱼的社区进行了危险性评估。对 615 人的粪便检查结果吸虫卵的感染率为 64.9%。为了进行吸虫种类的鉴定,我们对感染民众进行了肝吸虫和肠吸虫的驱虫治疗,结果发现 51.5% 病例感染华枝睾吸虫,全部病例感染异形科 4 种肠吸虫中的至少 1 种。数量最多的是单睾属吸虫 (占 90.4% 病例查到虫卵)。这些结果显示在传统食用生鱼地区,鱼源性肠道寄生虫是一种未受重视的食物危险因素。

**1834 动物源性耐甲氧苯青霉素金黄色葡萄球菌在人群的出现 // Inge van Loo, Xander Huijsdens, Edine Tiemersma, I 等**

2003 年,在荷兰出现了 1 株新的耐甲氧苯青霉素金黄色葡萄球菌 (MRSA),用 *SmaI* 脉冲场凝胶电泳无法对其进行分型 (NT-MRSA)。我们研究了从人分离的 NT-MRSA 与动物宿主的关系。在加强监测后,NT-MRSA 的出现频率从 2002 年的 0% 上升到 2006 年 7 月的 > 21%。NT-MRSA 的分布与养猪场有关。

病例对照研究显示 NT-MRSA 的携带者通常是养猪者或养牛者 (养猪农民的比值比 OR 为 12.2, 95% 可信限 CI 为 3.1 - 48.6; 养牛农民的 OR 为 19.7, 95% CI 2.3 - 169.5)。分子分型表明 NT-MRSA 株都属于一个新的克隆复合群 ST398。本研究显示动物宿主的 MRSA 最近已经进入人群,并在在荷兰所有的 MRSA 占 20% 以上。

**P1847 马尔堡病毒的储存宿主研究 // Robert Swanepoel, Sheila B. Smit, Pierre E. Rollin**

为确定马尔堡病毒 (MARV) 的储存宿主,我们调查了刚果民主共和国东北部一个矿上的动物种群。该矿和 1998 - 2000 年间的马尔堡出血热迁延爆发有关。我们在 12 只蝙蝠上发现了 MARV 核酸,占了 2 种食虫蝙蝠和 1 种果蝠的 3.0% ~ 3.6%。检测了果蝠和 1 种食虫蝙蝠体内的 MARV 抗体,前者阳性率为 20.5%,后者为 9.7%,但未能分离出病毒。

**P1860 免受人致病性结肠炎耶尔森氏菌感染的猪群 // Truls Nesbakken, Terje Iversen, Bjørn Lium 等**

猪肉制品是食源性结肠炎耶尔森氏菌病的 1 种重要感染来源,因而在猪群中消灭此病原体是生产无致病病原猪肉的重要措施。免受结肠炎耶尔森氏菌 O<sub>3</sub>/生物型 4 感染的猪群已经建立并保持传代。根据血清学检测和培养结果,16 个无特定病原体感染的猪群中有 15 个未受结肠炎耶尔森氏菌 O<sub>3</sub>/生物型 4 感染。这种封闭式繁殖方式已经使猪群自 1996 年起即保持免受结肠炎耶尔森氏菌感染状态,提示可以通过养殖无人病原体感染的猪群以提供无动物源性病原的猪肉。

**P1865 加拿大 1 名儿童感染猪流感 (H3N2) 及可能存在社区传播 Joan L. Robinson, Bonita E. Lee, Jagdish Patel, 等**

1 株分离自加拿大公共农场 1 名 7 个月大的入院婴儿的甲型流感病毒 (H3N2),被命名为 A/加拿大/1158/2006,可能来源于猪。该患儿已康复。采用针对 A/加拿大/1158/2006 的血凝素抑制试验对农场 90 名员工中的 54 名作血清检查。指征病例、7 个家庭成员中有 4 个、46 个非家庭成员中有 4 个被证实为血清阳性,阳性者在调查之前的一年中 (下转封三)

(上接封二)

均未因呼吸道疾病而住过院。在该农场 12 周~6 个月龄的 10 只猪中,有 1 只血清阳性。在加拿大,人感染猪流感尚未获得足够认识,因为病毒可以通过适应或重排形成足以引起人间传播的毒株,所以应考虑将猪场员工的常规监测纳入应对流感大流行的准备工作中。

**P1871 猪场员工与猪流感病毒感染// Gregory C. Gray, Troy McCarthy, Ana W. Capuano**

2004 年,来自农业卫生研究(Agricultural Health Study)项目的 803 名农阿华州农民参加了一项为期 2 年的动物源性流感传播的前瞻性研究。收集入伍时的人口统计学、职业暴露以及入伍后第 12 个月和第 24 个月的随访资料,寻找猪接触史与发生流感病毒感染之间是否相关的证据。在使用多变量调整的比例比模型分析时发现,入伍时有猪暴露史的农民(比值比 OR54.9,95%可信限 CI 13.0 - 232.6)和他们无猪暴露史的配偶(OR 28.2,95% CI 6.1 - 130.1)猪流感病毒(H1N1)抗体水平升高的机会增加。通过自我报告流感样疾病的资料、入伍时和随访期间血清样品的比较以及从 1 名患病猪场农民分离到 1 株重排的猪流感病毒(H1N1)均获得了职业性猪病毒感染的诸多证据。表明猪场员工及他们的无猪暴露史配偶感染动物源性流感的危险性在增加。

**P1879 南非再发狂犬病的流行病学及病毒分子特征// Cheryl Cohen, Benn Sartorius, Claude Sabeta 等**

南非林波波省的犬狂犬病发病数从 2004 年的 5 例上升到 2006 年的 100 例。最后一例人狂犬病的确诊于 1981 年,但在 2006 年 2 月证实了 1 例指征病例后开展的调查发现,2005.08.05~2006.12.31 期间共有 21 例确诊病例、4 例可能病例和 5 例疑似病例。有 12 例病例由于原先未考虑狂犬病,是通过回顾性调查发现的,其中 6 例向乡医寻诊,6 例临床表现不典型,以腹部症状为主,7 例检测肝酶活性的患者中 6 例有升高。分子遗传学分析显示,此次爆发的病毒株与近期津巴布韦南部的犬株非常接近。人狂犬病病例的逾

期诊断可能由于在本病多年的有效控制之后,临床疑似病减少以及临床表现不典型造成的。

**P1887 牛的水貂传染性脑病和鼠模型 L 型牛海绵状脑病的表型相似性// Thierry Baron, Anna Bencsik, Anne-Ga lle Biacabe, 等**

水貂传染性脑病(TME)是牧场养殖水貂的 1 种食源性传染性海绵状脑病(TSE)。推测感染反刍动物 TSE 是其原因,但 TME 的准确起源仍然不清楚。为比较每种 TSE 的表型,将牛 TME 传代株和 3 株不同的牛海绵状脑病(BSE)病原(典型 BSE, H 型 BSE 和 L 型 BSE)分别接种表达绵羊朊蛋白的转基因鼠(TgOvPrP4)。转基因鼠对牛传代 TME、典型 BSE 和 L 型 BSE 易感,但对 H 型 BSE 不敏感。根据生存期、脑损害形式、疾病相关朊蛋白在脑的分布和具蛋白酶抗性朊蛋白的生化特点,与 L 型 BSE 和牛 TME 相比,典型 BSE 在 TgOvPrP4 鼠表现为独特的表型。L 型 BSE 和牛 TME 在 TgOvPrP4 鼠的表型相似性提示 L 型 BSE 比典型 BSE 更有可能成为 TME 的来源。

**P1895 德国 1962 - 2005 年间人布鲁氏菌病流行病学的变化// Sascha Al Dahouk, Heinrich Neubauer, Andreas Hensel 等**

通过对德国 1962 - 2005 年人间布鲁氏菌病的监测资料和 1995 - 2005 年结合问卷调查的资料进行分析,获得了此病的流行病学趋势。布鲁氏菌病发病率在经历了 1962 - 80 年代的稳步下降之后,最近几年的病例数均保持在一个稳定的水平。土耳其移民发病率最高,达 0.3/10 万,而德国人口的发病率仅为 0.01/10 万,发病率比为 29:1。在有暴露危险的病例中,59%与食用未经消毒的来自布鲁氏菌病流行区的奶酪有关。诊断延误时间平均为 2.5 个月,病死率从 1978 - 1981 年的 0.4%上升到 1998 - 2001 最高的 6.5%。德国布病的流行特征已经从原先的德国本土的地方性职业病演化为与旅行相关的食源性人兽共患病,主要感染土耳其移民。较长的诊断延误期和高病死率均要求采取有针对性的公共卫生措施。

(福建省疾病预防控制中心 邓艳琴摘译 欧剑鸣校)